**Таблица 1. Факторы, связанные с риском развития рака шейки матки, в группах исследования**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Характеристика** | **Частота, абс. (%)** | **р (χ2)** |
| **пациенты с РШМ (n = 320)** | **контрольная группа (n = 200)** |
| Курение: |  |  |  |
| да | 42 (13,1) | 23 (11,5) | 0,586 |
| нет | 278 (86,9) | 177 (88,5) |  |
| ИМТ: |  |  |  |
| < 25 | 179 (55,9) | 106 (53,0) | 0,513 |
| ≥ 25 | 141 (44,1) | 94 (47,0) |  |
| ВПЧ: |  |  |  |
| есть | 237 (74,1) | 23 (11,5) | < 0,001 |
| нет | 83 (25,9) | 177 (88,5) |  |

ВПЧ – вирус папилломы человека, ИМТ – индекс массы тела (кг/м2), РШМ – рак шейки матки

**Таблица 2. Распределение генотипов и аллелей *rs1800629* гена *TNFα* и *rs3775291* гена *TLR3* и их ассоциация с раком шейки матки**

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **Модель наследования** | **Частота, абс. (%)** | **χ2** | **р** | **ОШ [95% ДИ]** |
| **пациенты с РШМ** | **контрольная группа** |
| *rs1800629* гена *TNFα* |
| Кодоминантная |
| *GG* | 197 (61,56) | 146 (73,0) | 8,33 | 0,016 | 0,592 [0,403–0,871] |
| *GA* | 101 (31,56) | 48 (24,0) | 1,46 [0,978–2,181] |
| *AA* | 22 (6,88) | 6 (3,0) | 2,387 [0,951–5,994] |
| Мультипликативная |
| *G* | 495 (77,3) | 340 (85,0) | 9,12 | 0,003 | 0,602 [0,433–0,839] |
| *А* | 145 (22,7) | 60 (15,0) | 1,66 [1,192–2,311] |
| Доминантная |
| *GG* | 197 (61,6) | 146 (73,0) | 7,17 | 0,008 | 0,592 [0,403–0,857] |
| *GA + AA* | 123 (38,4) | 54 (27,0) | 1,688 [1,149–2,481] |
| Рецессивная |
| *GG + GA* | 298 (93,1) | 194 (97,0) | 3,63 | 0,058 | 0,419 [0,167–0,959] |
| *АА* | 22 (6,9) | 6 (3,0) | 2,387 [0,951–5,994] |
| *rs3775291* гена *TLR3* |
| Кодоминантная |
| *СС* | 128 (40,0) | 104 (52,0) | 7,47 | 0,025 | 0,615 [0,431–0,879] |
| *СТ* | 159 (49,7) | 82 (41,0) | 1,421 [0,995–2,031] |
| *ТТ* | 33 (10,3) | 14 (7,0) | 1,528 [0,796–2,932] |
| Мультипликативная |
| *С* | 415 (64,8) | 290 (72,5) | 6,61 | 0,011 | 0,70 [0,533–0,919] |
| *Т* | 225 (35,2) | 110 (27,5) | 1,43 [1,088–1,878] |
| Доминантная |
| *СС* | 128 (40,0) | 104 (52,0) | 7,17 | 0,008 | 0,615 [0,431–0,891] |
| *СТ + ТТ* | 192 (60,0) | 96 (48,0) | 1,625 [1,138–2,321] |
| Рецессивная |
| *СС + СТ* | 287 (89,7) | 186 (93,0) | 1,643 | 0,176 | 0,655 [0,341–1,154] |
| *ТТ* | 33 (10,3) | 14 (7,0) | 1,528 [0,796–2,932] |

χ2 – критерий Пирсона, ДИ – доверительный интервал, ОШ – отношение шансов, РШМ – рак шейки матки

**Таблица 3. Ассоциации между генотипами *TNFα rs1800629* и *TLR3 rs3775291* и факторами, связанными с риском развития рака шейки матки**

|  |  |
| --- | --- |
| **Характеристика** | **Частота, абс. (%)** |
| ***rs1800629* гена *TNFα*** | **р (χ2)** | ***rs3775291* гена *TLR3*** | **р (χ2)** |
| ***GG* (n = 197)** | ***GA* (n = 101)** | ***AA* (n = 22)** | ***СС* (n = 128)** | ***СТ* (n = 159)** | ***ТТ* (n = 33)** |
| Возраст: |  |  |  |  |  |  |  |  |
| ≤ 55 лет | 96 (48,7) | 53 (52,5) | 12 (54,5) | 0,762 | 65 (50,8) | 78 (49,1) | 18 (54,5) | 0,84 |
| > 55 лет | 101 (51,3) | 48 (47,5) | 10 (45,5) |  | 63 (49,2) | 81 (50,9) | 15 (45,5) |  |
| Курение: |  |  |  |  |  |  |  |  |
| да | 17 (8,6) | 14 (13,9) | 11 (50,0) | < 0,001 | 11 (8,6) | 14 (8,8) | 17 (51,5) | < 0,001 |
| нет | 180 (91,4) | 87 (86,1) | 11 (50,0) |  | 117 (91,4) | 145 (91,2) | 16 (48,5) |  |
| ИМТ: |  |  |  |  |  |  |  |  |
| < 25 | 113 (57,4) | 47 (46,5) | 10 (45,5) | 0,157 | 75 (58,6) | 88 (55,3) | 16 (48,5) | 0,568 |
| ≥ 25 | 84 (42,6) | 54 (53,5) | 12 (54,5) |  | 53 (41,4) | 71 (44,7) | 17 (51,5) |  |
| ВПЧ: |  |  |  |  |  |  |  |  |
| есть | 155 (78,7) | 69 (68,3) | 13 (59,1) | 0,039 | 99 (77,3) | 121 (76,1) | 17 (51,5) | 0,007 |
| нет | 42 (21,3) | 32 (31,7) | 9 (40,9) |  | 29 (22,7) | 38 (23,9) | 16 (48,5) |  |

χ2 – критерий Пирсона, ВПЧ – вирус папилломы человека, ИМТ – индекс массы тела (кг/м²)